

تمرين 01:

- نحدد طبيعة كل نوع من أنواع الأكياس الأسكية الستة ضمن الجدول:

الأنماط	1	2	3	4	5	6
	a	A	a	a	A	A
	a	A	a	a	A	A
	a	A	A	A	a	a
	a	A	A	A	a	a
	A	a	a	A	a	A
	A	a	a	A	a	A
	A	a	A	a	A	a
	A	a	A	a	A	a
عدد الأكياس الأسكية	96	109	9	12	6	8
طبيعة الأكياس الأسكية	أبوية		عوروية			

1 - تحديد عدد الجينات المتحكمة في صفة علامة الجنس:

- لتحديد عدد الجينات ندرس انزال الصفات داخل الأكياس الأسكية ونحسب النسبة:

$$A : 4 = 4 : 1 \rightarrow \text{عدد الجراثيم الحاملة لصفة } a : \text{ عدد الجراثيم الحاملة لصفة } A$$

وبالتالي هناك جين واحد يحكم صفة علامة الجنس بأليليه (A, a).

2- التمثيل الكروموسومي (واجب منزلي)

3 - دراسة ارتباط الجين بالستنترومير:

- يكون الجين A مرتبطة بالستنترومير إذا كانت النسبة المئوية للأكياس العوروية المدروسة أقل من النسبة المئوية للأكياس العوروية النظرية القصوى (66,67%).

$$\frac{\text{عدد الأكياس العوروية}}{\text{عدد الأكياس الكلية}} = \frac{09+12+06+08}{240} \times 100 = 14,58\%$$

- للأكياس العوروية = 14,58% ، وهي أقل من 66,67% ، وبالتالي فإن الجين A مرتبطة بالستنترومير.

- استخراج علاقة حساب المسافة الوراثية d:

$$d = \% RT = \% (\text{الأنيمات العوروية})$$

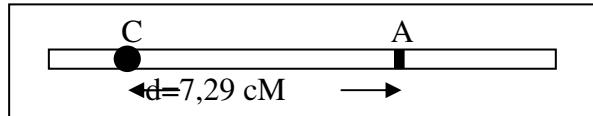
$$= \frac{\text{عدد الجراثيم العوروية}}{\text{عدد الجراثيم الكلية}} \times 100$$

$$= \frac{4}{8} \times 100 = \frac{1}{2} \% (\text{الأكياس العوروية})$$

- حساب المسافة الوراثية d:

$$d = \frac{1}{2} \% (14,58) = 7,29 \text{ cM}$$

ويعبر عنها على الكروموسوم كالتالي:



4 - حساب عدد أكياس كل نمط في حالة d=20 cM :

$$\text{من خلال العلاقة: } (\text{الأكياس العوروية}) \% = d = \frac{1}{2} \%$$

- نستنتج نسبة الأكياس العبورية = 40%， وهي موزعة بالتساوي عبر أنواع الأكياس الأسكية الأربع: 3، 4، 5، 6.

- أما نسبة الأكياس الأبوية = 60%， وهي موزعة بالتساوي عبر النوعين: 1 و 2.

- عليه يمكن الإجابة على السؤال من خلال الجدول الموجلي:

أنماط الأكياس الأسكية	1	2	3	4	5	6
الطبيعة من حيث كونها : أبوية أو عبورية	أبوية					
النسبة المئوية	60					
	30	30	10	10	10	10
عدد الأكياس الأسكية	72	72	24	24	24	24
العدد الإجمالي	240					

تمرين 02:

1 - تحديد عدد الجينات المتحكمة في لون الأبواغ:

- لتحديد عدد الجينات ندرس انعزال الصفات داخل الأكياس الأسكية ونحسب النسبة:

$$\text{عدد الجراثيم البيضاء} : \text{عدد الجراثيم السوداء} = 4 : 4 = 1$$

- وبالتالي هناك جين واحد B يحكم صفة لون الأبواغ بأليليه (b^+ , b).

2 - دراسة ارتباط الجين بالستنترومير:

- يكون الجين B مرتبطا بالستنترومير إذا كانت النسبة المئوية للأكياس العبورية المدروسة أقل من النسبة المئوية للأكياس العبورية النظرية القصوى (66,67%).

$$\frac{\text{عدد الأكياس العبورية}}{\text{عدد الأكياس الكلية}} = \frac{300}{1000} \times 100 = 30\%$$

- للأكياس العبورية = 30%， وهي أقل من 66,67%， وبالتالي فإن الجين B مرتبط بالستنترومير.

3 - حساب المسافة الوراثية d:

$$d = \frac{1}{2} \% = \frac{1}{2} (30) = 15 \text{ cM}$$

4- إثبات المعادلة (سبق إثباتها في التمرين 1)

تمرين 03:

- لدينا التركيب الوراثي للسلالتين الأبويتين: ($\text{try}^+, \text{his}^-$) و ($\text{try}^-, \text{his}^+$).

1- تسمية أنواع الأكياس الأسكية:

الأنماط	1	2	3
الرباعيات	$\text{try}^+, \text{his}^-$	$\text{try}^-, \text{his}^+$	$\text{try}^-, \text{his}^-$
	$\text{try}^+, \text{his}^-$	$\text{try}^-, \text{his}^-$	$\text{try}^+, \text{his}^+$
	$\text{try}^-, \text{his}^+$	$\text{try}^+, \text{his}^-$	$\text{try}^-, \text{his}^-$
	$\text{try}^-, \text{his}^+$	$\text{try}^+, \text{his}^+$	$\text{try}^+, \text{his}^+$
عدد الأكياس الأسكية	540	300	539
التسمية	نمط ثانوي أبوبي	نمط رباعي	نمط ثانوي غير أبوبي
مصطلح التسمية	Parental Ditype (PD)	Tetratype (TT)	Non Parental Ditype (NPD)

2 - تحديد عدد الجينات المتحكمة في التهجين:

- لمعرفة عدد الجينات ندرس انعزال نواتج الانقسام الميوزي داخل الكيس الأسكي الواحد، وذلك بالنسبة لكل صفة على حدة، فنجد:

صفة القدرة أو عدم القدرة على تخليق his	صفة القدرة أو عدم القدرة على تخليق try
his ⁺ : his ⁻	try ⁺ : try ⁻
2/4 : 2/4	2/4 : 2/4
2 : 2	2 : 2
1 : 1	1 : 1
هناك جين واحد بآلليليه (his ⁺ , his ⁻) يتحكم في هذه الصفة	هناك جين واحد بآلليليه (try ⁺ , try ⁻) يتحكم في هذه الصفة
و مجملًا نقول أن هناك جينان (أليلان لكل جين) يتحكمان في هذا التهجين.	

3 - دراسة ارتباط الجينين:

- لمعرفة إذا ما كان الجينان مرتبطان أم مستقلان نقارن بين عدد الأكياس الأبوية (PD) وعدد الأكياس غير الأبوية (NPD)، فإذا كانت (NPD < PD) فهناك ارتباط بين الجينين، أي أنهما موجودان على نفس الكروموسوم. عدا ذلك فهناك استقلال، وفي مثالنا نجد الآتي:
- ـ NPD = 539، PD = 540، أي $NPD \approx PD$. وبالتالي فالجينان مستقلان.

تمرين 04:

- لدينا التركيب الوراثي للسلالتين الأبويتين: (a, met⁺) و (A, met⁻).
- 1 - تحديد عدد الجينات المتحكمة في التهجين:**

- لمعرفة عدد الجينات ندرس انعزال نواتج الانقسام الميوزي داخل الكيس الأسكي الواحد، وذلك بالنسبة لكل صفة على حدة، فنجد:

صفة علامة الجنس A	صفة القدرة أو عدم القدرة على تخليق met
A : a	met ⁺ : met ⁻
4/8 : 4/8	4/8 : 4/8
4 : 4	4 : 4
1 : 1	1 : 1
هناك جين واحد بآلليليه (A, a) يتحكم في هذه الصفة	هناك جين واحد بآلليليه (met ⁺ , met ⁻) يتحكم في هذه الصفة
وبالتالي هناك جينان (أليلان لكل جين) يتحكمان في هذا التهجين.	

2 - دراسة الارتباط:

- نقارن بين عدد الأكياس الأبوية (PD) وعدد الأكياس غير الأبوية (NPD)، وفي مثالنا نجد الآتي:
- ـ PD = 140، NPD = 04، أي $PD \gg NPD$. وبالتالي فالجينان مرتبطان.

3

- استخراج علاقة حساب المسافة الوراثية d:

$$d = \% RT = \% (\text{الجراثيم العبورية}) = \% (\text{الأنمط العبورية}) = \frac{\text{عدد الجراثيم الكلية}}{\text{عدد الجراثيم العبورية}} \times 100 = \frac{8(NPD) + 4(TT)}{8(PD + NPD + TT)} \times 100 = \frac{(NPD) + \frac{1}{2}(TT)}{(PD + NPD + TT)} \times 100$$

- حساب المسافة الوراثية d:

$$d = \frac{(NPD) + \frac{1}{2}(TT)}{(PD+NPD+TT)} \times 100 = \frac{(04) + \frac{1}{2}(68)}{(140+04+68)} \times 100 = 17,92 \text{ cM}$$

الأنماط	1	2	3
	2 a, met ⁻ 2 a, met ⁻ 2 A, met ⁺ 2 A, met ⁺	2 a, met ⁻ 2 a, met ⁺ , 2 A, met ⁺ 2 A, met ⁻	2 a, met ⁺ 2 a, met ⁺ 2 A, met ⁻ 2 A, met ⁻
عدد الأكياس الأسكية	140	68	04

4- التمثيل الكرومومومي (واجب منزلي)

تمرين 05:

- لدينا التركيب الوراثي للسلالتين الأبويتين: (Pab : Para-aminobenzoic acid) ، (arg⁺, pab⁺) و (arg⁻, pab⁻) .
- 1- تسمية أنماط الأكياس:**

الأنماط	1	2	3
الرباعيات	arg ⁻ , pab ⁺ arg ⁻ , pab ⁺ arg ⁺ , pab ⁻ arg ⁺ , pab ⁻	arg ⁻ , pab ⁻ arg ⁻ , pab ⁻ arg ⁺ , pab ⁺ arg ⁺ , pab ⁺	arg ⁻ , pab ⁺ arg ⁻ , pab ⁻ arg ⁺ , pab ⁺ arg ⁺ , pab ⁻
عدد الأكياس الأسكية	119	01	71
التسمية	نط ثانوي أبوبي	نط ثانوي غير أبوبي	نط رباعي
مصطلح التسمية	Parental Ditype (PD)	Non Parental Ditype (NPD)	Tetratype (TT)

2- تحديد عدد الجينات المتحكمة في التهجين:

- لمعرفة عدد الجينات ندرس انعزال نواتج الانقسام الميوزي داخل الكيس الأسكي الواحد، وذلك بالنسبة لكل صفة على حدة، فنجد:

صفة القدرة أو عدم القدرة على تخليق pab	صفة القدرة أو عدم القدرة على تخليق arg
pab ⁺ : pab ⁻	arg ⁺ : arg ⁻
2/4 : 2/4	2/4 : 2/4
2 : 2	2 : 2
1 : 1	1 : 1
هناك جين واحد بآلية (pab ⁺ , pab ⁻) يتحكم في هذه الصفة	هناك جين واحد بآلية (arg ⁺ , arg ⁻) يتحكم في هذه الصفة

- وبالتالي هناك جينان (أليلان لكل جين) يتحكمان في هذا التهجين.

3- دراسة الارتباط:

- نقارن بين عدد الأكياس الأبوية (PD) و عدد الأكياس غير الأبوية (NPD)، وفي مثالنا نجد الآتي:
- PD = 119، NPD = 01، أي PD >> NPD، وبالتالي فالجينان مرتبطان.

4- حساب المسافة الوراثية بين الجينين d:

$$d = \frac{(NPD) + \frac{1}{2}(TT)}{(PD+NPD+TT)} \times 100 = \frac{(01) + \frac{1}{2}(71)}{(119+01+71)} \times 100 = 19,11 \text{ cM}$$