**Ateliers de Bioinformatique en marge du**

**3ème Colloque Tuniso-Français de Génétique Humaine**

**27 septembre - 29 septembre 2016**

**Institut Pasteur de Tunis**

Du 27 au 29 septembre 2016 se tiendront, en tant qu’événements organisés en marge du colloque, trois ateliers de bioinformatique à l’Institut Pasteur de Tunis.

Pour participer à ces ateliers, vous devez impérativement vous inscrire en remplissant les formulaires ci-joints et en les envoyant à l’adresse e-mail suivante : [***colloque.genetiquehumaine3@gmail.com***](mailto:colloque.genetiquehumaine3@gmail.com)

Chaque atelier visera un objectif précis (même si plusieurs compétences sont regroupées sous le même intitulé). Il vous sera donc possible d'assister à un, deux ou trois de ces ateliers.

Il vous sera demandé dans le formulaire d'inscription d’exposer vos motivations pour la formation choisie.

**Programme**

**Mardi 27 septembre 2016 Atelier 1: *Initiation au data-mining et initiation à R***

|  |  |
| --- | --- |
| **Matinée**  8h- 10h  10h- 10h30  10h30-12h  12h-13h  **Après-midi**  13h-15h  15h-15h30  15h30-17h30 | Introduction au data-mining  Pause-café  Outils pour le data-mining  Déjeuner  Initiation à R (partie 1)  Pause-café  Initiation à R (partie 2) |

**Mercredi 28 septembre 2016 Atelier2: *Analyse haplotypique et annotation fonctionnelle***

|  |  |
| --- | --- |
| **Matinée**  8h- 10h  10h- 10h30  10h30-12h  12h-13h  **Après-midi**  13h-15h  15h-15h30  15h30-17h30 | Analyse pangénomique avec PLINK (partie 1)  Pause-café  Analyse pangénomique avec PLINK (partie 2)  Déjeuner  Analysehaplotypique (Haploview, PHASE)  Pause-café  Annotation fonctionnelle |

|  |  |
| --- | --- |
| **Matinée**  8h- 10h  10h- 10h30  10h30-12h  12h-13h  **Après-midi**  13h-15h  15h-15h30  15h30-17h30 | Introduction aux plateformes de séquençage à haut débit  Pause-café  Exemple d’application 1 : Contrôle qualité et Alignement  Déjeuner  Exemple d’application2 : ’Variant calling’  Pause-café  Exemple d’application2 : Annotation |

**Jeudi 29 septembre 2016 Atelier3: *Analyse de données NGS***

**FORMULAIRE D’INSCRIPTION AUX ATELIERS**

*A renvoyer par mail, dûment rempli à l’adresse suivante :*

[***colloque.genetiquehumaine3@gmail.com***](mailto:colloque.genetiquehumaine3@gmail.com)

**30 participants par atelier**

Pour cocher une case : cliquer deux fois dessus et choisir « case activée ».

Mlle : Mme : Mr :

Nom : …………………………………………Prénom : …………………………………….

Statut : Étudiant, Résident, Doctorant, Post-Doctorant, Technicien

Assistant, Maitre-assistant, Professeur Agrégé, Professeur

Autre  : Préciser : …………………………………………………………………….

Etablissement : …………………………………………………………………….....................

Adresse professionnelle :……………………………………………………………………….………….……………………………………………………………........................................

Téléphone : ……………….………………................................................................................

E-mail : ……………………………………...............................................................................

* **Atelier 1** :Mardi 27 septembre 2016 de 8h à 17h30

**Initiation au data-mining et initiation à R**

* **Atelier 2**:Mercredi 28 septembre 2016 de 8h à 17h30

**Analyse haplotypique et annotation fonctionnelle**

* **Atelier3 :**Jeudi 29 septembre 2016 de 8h à 17h30

**Analyse de données NGS**

**Frais d’inscription :25DT par atelier payable après notification d’acceptation par e-mail**

**Hébergement avec tarifs préférentiels pour les participants aux ateliers:**

* Hôtel Al Karmel: 45 DT/personne (chambre double en LPD) ou 65 DT/personne (chambre single en LPD)

**Motivation**

………………………………………………………………………………………………..………………………………………………………………………………………………..………………………………………………………………………………………………..………………………………………………………………………………………………..………………………………………………………………………………………………..………………………………………………………………………………………………..………………………………………………………………………………………………..………………………………………………………………………………………………..………………………………………………………………………………………………..……………………………………………………………………………………………..………………………………………………………………………………………………..………………………………………………………………………………………………..………………………………………………………………………………………………..……………………………………