**Ateliers de Bioinformatique en marge du**

**3ème Colloque Tuniso-Français de Génétique Humaine**

**27 septembre - 29 septembre 2016**

**Institut Pasteur de Tunis**

Du 27 au 29 septembre 2016 se tiendront, en tant qu’événements organisés en marge du colloque, trois ateliers de bioinformatique à l’Institut Pasteur de Tunis.

Pour participer à ces ateliers, vous devez impérativement vous inscrire en remplissant les formulaires ci-joints et en les envoyant à l’adresse e-mail suivante : ***colloque.genetiquehumaine3@gmail.com***

Chaque atelier visera un objectif précis (même si plusieurs compétences sont regroupées sous le même intitulé). Il vous sera donc possible d'assister à un, deux ou trois de ces ateliers.

Il vous sera demandé dans le formulaire d'inscription d’exposer vos motivations pour la formation choisie.

**Programme**

**Mardi 27 septembre 2016 Atelier 1: *Initiation au data-mining et initiation à R***

|  |  |
| --- | --- |
| **Matinée**8h- 10h10h- 10h3010h30-12h12h-13h**Après-midi**13h-15h  15h-15h30  15h30-17h30   | Introduction au data-miningPause-café Outils pour le data-miningDéjeunerInitiation à R (partie 1)Pause-caféInitiation à R (partie 2) |

**Mercredi 28 septembre 2016 Atelier2: *Analyse haplotypique et annotation fonctionnelle***

|  |  |
| --- | --- |
| **Matinée**8h- 10h10h- 10h3010h30-12h12h-13h**Après-midi**13h-15h  15h-15h3015h30-17h30   | Analyse pangénomique avec PLINK (partie 1)Pause-café Analyse pangénomique avec PLINK (partie 2)DéjeunerAnalysehaplotypique (Haploview, PHASE)Pause-caféAnnotation fonctionnelle |

|  |  |
| --- | --- |
|  **Matinée**8h- 10h10h- 10h3010h30-12h12h-13h**Après-midi**13h-15h15h-15h30 15h30-17h30   | Introduction aux plateformes de séquençage à haut débit Pause-café Exemple d’application 1 : Contrôle qualité et Alignement DéjeunerExemple d’application2 : ’Variant calling’ Pause-caféExemple d’application2 : Annotation |

**Jeudi 29 septembre 2016 Atelier3: *Analyse de données NGS***

**FORMULAIRE D’INSCRIPTION AUX ATELIERS**

*A renvoyer par mail, dûment rempli à l’adresse suivante :*

***colloque.genetiquehumaine3@gmail.com***

**30 participants par atelier**

Pour cocher une case : cliquer deux fois dessus et choisir « case activée ».

Mlle :[ ]  Mme :[ ]  Mr :[ ]

Nom : …………………………………………Prénom : …………………………………….

Statut : Étudiant[ ] , Résident[ ] , Doctorant[ ] , Post-Doctorant[ ] , Technicien[ ]

Assistant[ ] , Maitre-assistant[ ] , Professeur Agrégé[ ] , Professeur[ ]

Autre [ ]  : Préciser : …………………………………………………………………….

Etablissement : …………………………………………………………………….....................

Adresse professionnelle :……………………………………………………………………….………….……………………………………………………………........................................

Téléphone : ……………….………………................................................................................

E-mail : ……………………………………...............................................................................

* **Atelier 1** :Mardi 27 septembre 2016 de 8h à 17h30 [ ]

**Initiation au data-mining et initiation à R**

* **Atelier 2**:Mercredi 28 septembre 2016 de 8h à 17h30[ ]

 **Analyse haplotypique et annotation fonctionnelle**

* **Atelier3 :**Jeudi 29 septembre 2016 de 8h à 17h30 [ ]

**Analyse de données NGS**

**Frais d’inscription :25DT par atelier payable après notification d’acceptation par e-mail**

**Hébergement avec tarifs préférentiels pour les participants aux ateliers:**

* Hôtel Al Karmel: 45 DT/personne (chambre double en LPD) ou 65 DT/personne (chambre single en LPD)

**Motivation**

………………………………………………………………………………………………..………………………………………………………………………………………………..………………………………………………………………………………………………..………………………………………………………………………………………………..………………………………………………………………………………………………..………………………………………………………………………………………………..………………………………………………………………………………………………..………………………………………………………………………………………………..………………………………………………………………………………………………..……………………………………………………………………………………………..………………………………………………………………………………………………..………………………………………………………………………………………………..………………………………………………………………………………………………..……………………………………